

PRESCRIPTION D'ANALYSES GENETIQUES CONSTITUTIONNELLES

Le consentement éclairé, l'arbre généalogique avec identification du cas index et le **compte rendu de consultation** doivent être obligatoirement joints.
 En l'absence de ces documents, le prélèvement sera stocké puis détruit à terme.

Cette prescription vaut engagement de paiement au Centre Jean Perrin par l'établissement dont dépend le prescripteur.

Prescripteur et Destinataire du CR	Identification Patient
Nom : Service : Adresse de l'Etablissement : Courriel : Téléphone : Signature : Date de prescription :	Nom de naissance : Nom d'usage : Prénom : Date de naissance : Sexe : Référence famille : N° SS : Caisse de rattachement :

Renseignements cliniques :

Individu atteint de cancer : ☐ OUI ☐ NON Si oui, préciser l'histologie :

Autre diagnostic clinique :

Priorité : ☐ Standard ☐ Prioritaire Justifier priorité :
 Date prévue de rendu de résultat :

Le catalogue des examens est disponible sur <https://cjp.manuelprelevement.fr>. Les délais de rendu des résultats et les cotations RIHN y sont indiqués.

Analyse globale par panel NGS : ☐ Cas index ☐ Apparenté pour étude du cas index

Panel demandé :

- ☐ **Sein ou Ovaire :** ATM, BRCA1, BRCA2, CDH1, CHEK2, EPCAM*, MLH1, MSH2, MSH6, NF1, PALB2, PMS2*, PTEN, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53
- ☐ **Tube digestif :** APC, AXIN2, BMPR1A, CDH1, CTNNA1, EPCAM*, MLH1, MSH2, MSH6, MUTYH, NTHL1, PMS2*, POLD1, POLE, PTEN, RNF43, SMAD4, STK11
- ☐ **Pancréas exocrine :** APC, ATM, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, EPCAM*, MLH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2*, STK11
- ☐ **Prostate :** ATM, BRCA1, BRCA2, CHEK2, EPCAM*, HOXB13, MLH1, MSH2, MSH6, PMS2*
- ☐ **Mélanome :** BAP1, CDK4, CDKN2A, MC1R, MITF*
- ☐ **Rein :** BAP1, FH, FLCN, MET*, PTEN, SDHA*, SDHB, SDHC, SDHD, TSC1, TSC2, VHL
- ☐ **Phéo/Paragangliome :** DLST, EGLN1, EPAS1, FH, MAX, MDH2, NF1, RET, SDHA*, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, SCL25A11, TMEM127, VHL
- ☐ **Hyperparathyroïdie :** AP2S1, CASR, CDC73 (HRPT2), CDKN1B, GCM2, GNA11, MEN1, RET
- ☐ **Adénomes hypophysaires :** AIP, CDKN1B, MEN1, PRKAR1A, SDHA*, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD
- ☐ **TNE du pancréas :** CDKN1B, MEN1, VHL
- ☐ **Werner :** LMNA, POLD1, WRN (pour toute demande d'analyse du panel Werner merci de remplir la fiche de renseignement clinique dédiée)

Autres : ☐ DICER1 ☐ MBD4 ☐ NF2 ☐ SMARCB1 ☐ SMARCA4 ☐

*EPCAM : CNV des exons 8 et 9 seulement, MET : exons 15 à 21, MITF : seule la mutation activatrice c.952G>A ; p.(Glu318Lys) est recherchée, PMS2 : sauf exons 12 à 15, SDHA : sauf exons 14 pour les CNV

Analyse ciblée : ☐ Recherche de variant familial chez un apparenté **Attention 2 prélèvements indépendants sont requis** ☐ Test constitutionnel suite à variant tumoral identifié

Gène : Nom, Prénom du cas index :

Si le variant n'a pas été identifié dans notre laboratoire, merci de joindre une copie du résultat du cas index

Analyse ARN par panel NGS

Gène : Variant:
 Pour toute demande d'analyse de transcrit merci de prendre contact avec le laboratoire au préalable

Identification des prélèvements

1 ^{er} prélèvement :	2 nd prélèvement :
Date : Heure : Préleveur : <input type="checkbox"/> Sang* 1 tube de 5ml sur EDTA <input type="checkbox"/> ARN 2 tube PAXGene <input type="checkbox"/> Autre :	Date : Heure : Préleveur : <input type="checkbox"/> Papier FTA (sang ou frottis jugal) uniquement pour les mutations ponctuelles, non utilisable pour les CNV <input type="checkbox"/> Sang* 1 tube de 5ml sur EDTA <input type="checkbox"/> Autre :

***Si 2 prélèvements sanguins indépendants, les effectuer à des temps différents ou par des préleveurs différents. Les acheminer dans 2 sachets différents et avec 2 feuilles de prescription indépendantes.** Les prélèvements sanguins doivent être acheminés au laboratoire dans un délai de 4 jours maximum et à température ambiante (15-25°C°)